

Федеральное агентство научных организаций
ФЕДЕРАЛЬНОЕ ГОСУДАРСТВЕННОЕ БЮДЖЕТНОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ
НАУКИ «ВСЕРОССИЙСКИЙ НАЦИОНАЛЬНЫЙ НАУЧНО-
ИССЛЕДОВАТЕЛЬСКИЙ ИНСТИТУТ ВИНОГРАДАРСТВА И
ВИНОДЕЛИЯ «МАГАРАЧ» РАН

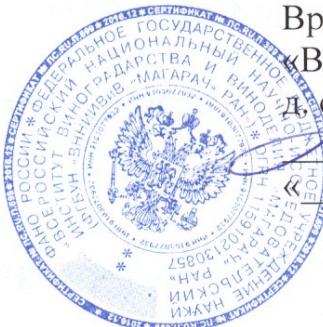
УТВЕРЖДАЮ

Врио директора ФГБУН
«ВНИИВиВ «Магарач» РАН

д. с.-х. наук, проф.

М.Н.Борисенко

«11» декабря 2017



ПРОТОКОЛ ВЕРИФИКАЦИИ
стандартной операционной процедуры
«Идентификация сортов винограда методом фрагментного
анализа»

Ялта 2017

Наименование образцов – образцы полученных ПЦР продуктов

Цель заключается в верификации результатов оценки размеров ПЦР-ампликонов полученных в соответствии с СОПом «Идентификация сортов винограда методом фрагментного анализа»

Исполнитель:

лаборатория сектора молекулярно-генетических исследований (МГИ) ФГБУН ВНИИВиВ «Магарач» РАН (ул. Кирова, 31, г. Ялта, РК).

Дата проведения верификации: ноябрь 2017 г.

Характеристика и обозначение образцов:

- 1 – 20 образцов ПЦР-продуктов;
- 2 – образцы ПЦР-продуктов референсных сортов

Основные этапы верификации:

- подготовка генетического анализатора для выполнения фрагментного анализа;
- внесение формамида Hi-Di и размерного стандарта LIZ450 в стрипы с ПЦР-продуктами;
- внесение подготовленной смеси в лунки плашки;
- выполнение **фрагментного** анализа в соответствии с прилагаемой к прибору инструкцией;
- интерпретация результатов фрагментного анализа

Результаты верификации

Детекция положения и количественная оценка фрагментов ДНК осуществляется с помощью лазерной системы прибора. Установка параметров фрагментного анализа и сбор данных выполнена с помощью программного обеспечения Data Collection, а интерпретация полученных результатов выполнена с помощью программного обеспечения GeneMapper v 4.0.

При оценке результатов фрагментного анализа изучаемых и референсных образцов установлены наличие и размер аллелей анализируемых локусов, на основе которых получены ДНК-профили анализируемых сортов винограда.

Заключение.

По результатам верификации показано, что порядок действий при выполнении фрагментного анализа, которые устанавливает СОП «Идентификация сортов винограда методом фрагментного анализа», является приемлемыми для получения ДНК-профилей анализируемых сортов винограда.

Зав. сектором МГИ, к.б.н.

Ведущий научный сотрудник, к.б.н., доцент

Младший научный сотрудник, к.с.-х.н.



С.М. Гориславец

В.И. Рисованная

В.А. Володин

